

Extern Nr. [REDACTED]

Naam Voornaam	[REDACTED]	Geboortedatum Geslacht	[REDACTED]	Opdrachtnr. Ingangsdatum	[REDACTED]
Datum monsterafname Materiaal	[REDACTED]	Gevalideerd door Gevalideerd op	[REDACTED]	Uitslagstatus Uitslagstatus op	[REDACTED]

Test	Uitslag	Einheid	Normbereik	Vorig onderzoek
------	---------	---------	------------	-----------------

<b>Fecesdiagnostiek</b>				
Molekulargenetische Mikrobiomanalyse Mini NEU				
Moleculair-genetische microbioanalyse 3.0				
Kenmerken van de feces				

Kleur	donkerbruin			FE NAJ VISU
Consistentie	dunbrijig			FE NAJ VISU
pH-waarde	6,7	5,8 - 6,5		FE NAJ TESTS

Diversiteit				
Diversiteit	4,27	> 5		FE NAJ MGBEQ

De diversiteit aan bacteriën in de darm kan van mens tot mens sterk variëren. Frequent gebruik van antibiotica, infecties, toenemende leeftijd, eenzijdige voeding of roken zijn hierop van invloed.

Grad

3

Enterotype	
Bacteroides	FE NAJ MGBEQ

Het menselijke microbiom kan in drie enterotypes ingedeeld worden. De darmbacteriën vormen, afhankelijk van het enterotype, stabiele, maar duidelijk verschillende clusters met typische metabolische eigenschappen. Enterotype 1 wordt gekenmerkt door hoge aantallen Bacteroides en enterotype 2 door een sterke Prevotella kolonisatie. Enterotype 3 wordt gekenmerkt door een Ruminococcus flora.

Enterotyp

1

Dysbiose-index	
----------------	--

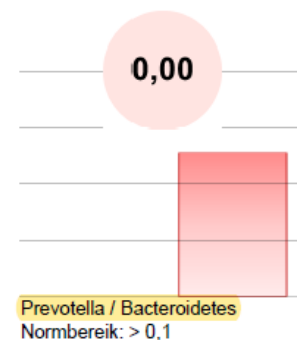
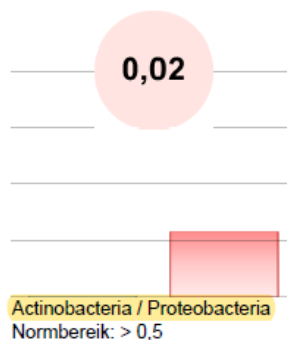
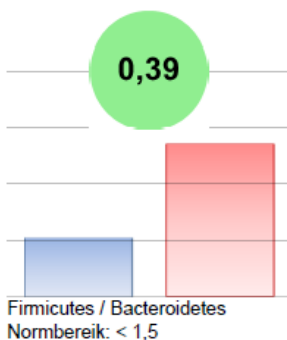
De dysbiose index is een maatstaf die afwijkingen binnen het microbiom weergeeft. Bij deze maatstaf wordt rekening gehouden met alle onderzochte bacteriefyla, - geslachten en -soorten e.e.a. afhankelijk van hun relevantie.

0 5 10 15 20 25 30 FE  
NAJ RECHN

Index

18

Ratio	
-------	--






Test	Uitslag	Eenheid	Normbereik	Vorig onderzoek
<b>Indeling van bacteriën naar fyllum</b>				
Actinobacteria	0,1	%	1,0 - 5,0	FE NAJ MGBEQ
Bacteroidetes	67,9	%	30 - 60	FE NAJ MGBEQ
Firmicutes	26,2	%	30 - 60	FE NAJ MGBEQ
Fusobacteria	0,0	%	0,0 - 1,0	FE NAJ MGBEQ
Proteobacteria	5,8	%	1,5 - 5,0	FE NAJ MGBEQ
Verrucomicrobia	0,0	%	1,5 - 5,0	FE NAJ MGBEQ
Overige	0,1	%		FE NAJ MGBEQ
<b>Metabooloom (stofwisselingsactieve bacteriegroepen)</b>				
Secundaire galzuren	-47,2	%		
TMA / TMAO	-49,4	%		
Indoxylsulfaat	-50,0	%		
Fenolen	-43,3	%		
Ammoniak	-34,3	%		
Histamine	-50,0	%		
Equol	-47,7	%		
Beta-glucuronidasen	-49,6	%		
<b>Indeling van bacteriën naar fyllum met de belangrijkste bacteriegelachten en -soorten</b>				
<b>Actinobacteria</b>				
Bifidobacterium	3,0 x 10 <sup>8</sup>	KVE/g feces	> 5,0 x 10 <sup>9</sup>	FE NAJ MGBEQ
Bifidobacterium longum	93	%		FE NAJ MGBEQ
Bifidobacterium adolescentis	7	%		FE NAJ MGBEQ
<b>Bacteroidetes</b>				
Bacteroidetes	6,4 x 10 <sup>11</sup>	KVE/g feces	> 1,5 x 10 <sup>11</sup>	FE NAJ MGBEQ
Bacteroides uniformis	14	%		FE NAJ MGBEQ
Bacteroides ovatus	11	%		FE NAJ MGBEQ
Prevotella	1,3 x 10 <sup>8</sup>	KVE/g feces	> 1,0 x 10 <sup>10</sup>	FE NAJ MGBEQ
<b>Firmicutes</b>				
<b>Butyraatproducerende bacteriën</b>				
Totaal kiemgetal	1,5 x 10 <sup>11</sup>	KVE/g feces	> 1,2 x 10 <sup>11</sup>	FE NAJ MGBEQ
Faecalibacterium prausnitzii	7,0 x 10 <sup>10</sup>	KVE/g feces	> 5,0 x 10 <sup>10</sup>	FE NAJ MGBEQ
Eubacterium rectale	1,4 x 10 <sup>10</sup>	KVE/g feces	> 1,0 x 10 <sup>10</sup>	FE NAJ MGBEQ
Eubacterium hallii	6,2 x 10 <sup>9</sup>	KVE/g feces	> 5,0 x 10 <sup>9</sup>	FE NAJ MGBEQ
Roseburia spp.	2,5 x 10 <sup>10</sup>	KVE/g feces	> 2,0 x 10 <sup>10</sup>	FE NAJ MGBEQ
Ruminococcus spp.	1,2 x 10 <sup>10</sup>	KVE/g feces	> 3,0 x 10 <sup>10</sup>	FE NAJ MGBEQ
Coprococcus spp.	7,7 x 10 <sup>9</sup>	KVE/g feces	> 2,0 x 10 <sup>10</sup>	FE NAJ MGBEQ
Butyrivibrio spp.	1,2 x 10 <sup>10</sup>	KVE/g feces	> 5,0 x 10 <sup>9</sup>	FE NAJ MGBEQ
<b>Clostridia</b>				
Totaal kiemgetal	3,1 x 10 <sup>9</sup>	KVE/g feces	< 4,0 x 10 <sup>9</sup>	FE NAJ MGBEQ
Clostridia Cluster I	1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 2,0 x 10 <sup>9</sup>	FE NAJ MGBEQ
<b>Fusobacteria</b>				
Fusobacterium	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>7</sup>	FE NAJ MGBEQ
<b>Verrucomicrobia</b>				
Akkermansia muciniphila	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	> 5,0 x 10 <sup>9</sup>	FE NAJ MGBEQ
<b>Proteobacteria</b>				

Test	Uitslag	Eenheid	Normbereik	Vorig onderzoek
<b>Pathogene of potentieel pathogene bacteriën</b>				
Haemophilus spp.	1,1 x 10 <sup>9</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>9</sup>	FE NA) MGSEQ
Acinetobacter spp.	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>6</sup>	FE NA) MGSEQ
Proteus spp.	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>6</sup>	FE NA) MGSEQ
Klebsiella spp.	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>6</sup>	FE NA) MGSEQ
Enterobacter spp.	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>6</sup>	FE NA) MGSEQ
Serratia spp.	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>6</sup>	FE NA) MGSEQ
Hafnia spp.	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>6</sup>	FE NA) MGSEQ
Morganella spp.	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>6</sup>	FE NA) MGSEQ
Citrobacter spp.	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 5,0 x 10 <sup>8</sup>	FE NA) MGSEQ
Pseudomonas spp.	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 5,0 x 10 <sup>7</sup>	FE NA) MGSEQ
Providencia spp.	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 5,0 x 10 <sup>7</sup>	FE NA) MGSEQ
<b>H2S-vorming</b>				
Sulfaatreducerende bacteriën (SRB)	5,1 x 10 <sup>8</sup>	KVE/g feces	< 2,0 x 10 <sup>9</sup>	FE NA) MGSEQ
Desulfovibrio piger	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>9</sup>	FE NA) MGSEQ
Desulfomonas pigra	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>9</sup>	FE NA) MGSEQ
Bilophila wadsworthii	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 2,0 x 10 <sup>9</sup>	FE NA) MGSEQ
<b>Immunogeniciteit / mucine vorming</b>				
<b>Immunogeen werkende bacteriën</b>				
Escherichia coli	3,8 x 10 <sup>6</sup>	KVE/g feces	10 <sup>6</sup> - 10 <sup>7</sup>	FE NA) MGSEQ
Enterococcus spp.	2,1 x 10 <sup>7</sup>	KVE/g feces	10 <sup>6</sup> - 10 <sup>7</sup>	FE NA) MGSEQ
Lactobacillus spp.	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	10 <sup>5</sup> - 10 <sup>7</sup>	FE NA) MGSEQ
<b>Mucine vorming / slijmvliesbarrière</b>				
Akkermansia muciniphila	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	> 5,0 x 10 <sup>9</sup>	FE NA) MGSEQ
Faecalibacterium prausnitzii	7,0 x 10 <sup>10</sup>	KVE/g feces	> 5,0 x 10 <sup>10</sup>	FE NA) MGSEQ
<b>Archaea</b>				
<b>Methanogenen</b>				
Methanobrevibacter spp.	< 1,0 x 10 <sup>5</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>8</sup>	FE NA) MGSEQ
<b>Mycobioom: relevante gisten</b>				
Candida albicans (CA)	<1,0 x 10 <sup>3</sup>	KVE/g feces	<1,0 x 10 <sup>3</sup>	FE NA) QPCR
Candida krusei (CK)	<1,0 x 10 <sup>3</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>3</sup>	FE NA) QPCR
Candida glabrata (CG)	<1,0 x 10 <sup>3</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>3</sup>	FE NA) QPCR
Candida dubliniensis (CD)	<1,0 x 10 <sup>3</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>3</sup>	FE NA) QPCR
Candida parapsilosis (CP)	<1,0 x 10 <sup>3</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>3</sup>	FE NA) QPCR
Candida tropicalis (CTp)	<1,0 x 10 <sup>3</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>3</sup>	FE NA) QPCR
Candida lusitanae (CL)	<1,0 x 10 <sup>3</sup>	KVE/g feces	< 1,0 x 10 <sup>3</sup>	FE NA) QPCR
<b>Maldigestie, malabsorptie, MIS</b>				
<b>Vertering</b>				
Vetgehalte	2,39	g/100g	< 3,5	FE NA) PHOT
Stikstofgehalte	0,21	g/100g	< 1,0	FE NA) PHOT
Suikergehalte	2,67	g/100g	< 2,5	FE NA) PHOT
Watergehalte	85,51	g/100g	75 - 85	FE NA) PHOT
<b>Maldigestie</b>				
Pancreas elastase in feces	500,99	µg/g	> 200	FE A) ELISA
Galzuren in feces	14,60	µmol/l	< 70	FE NA) PHOTO

FE=feces

\*Externe analyse (R), A) geaccrediteerd NA) niet geaccrediteerd

Test	Uitslag	Eenheid	Normbereik	Vorig onderzoek
<b>Malabsorptie</b>				
Calprotectine	<17,90	mg/l	< 50	 FE A) ELISA
Alfa-1-antitripsine	8,2	mg/dl	< 27,5	 FE A) ELISA
<b>Extra parameter(s)</b>				
Secretoir Immunoglobuline A	1332,6	µg/ml	510 - 2040	 FE A) ELISA